

走查電子誘電率顕微鏡

1 はじめに

水溶液中の生物試料や有機材料、ナノ粒子を直接観察 し分析することは、生物機能の解明や新たな高機能材料 の開発に結び付く.一般的な光学顕微鏡では、溶液中の 試料を観察可能であるが、その空間分解能は光の回折限 界により約 200 nm に制限される.一方,電子顕微鏡の 空間分解能は数 nm 以下と極めて高く、ナノレベルの微 細構造も観察可能である.しかし,プローブとして電子 線を使用するため、 筐体内部を真空にする必要があり、 溶液中の試料をそのまま導入し観察することは困難であ る. そのため、溶液試料を大気圧状態で封入し観察する 液体観察用の試料ホルダが開発されてきた^{1)~3)}.一般的 に金属粒子等の観察では、試料に直接電子線を照射し高 いコントラストで観察することが可能である.しかし. 有機材料や生物試料では水と比重が近く, 高いコントラ ストでの観察は困難である. さらに、電子線が直接照射 されるため電子線ダメージも大きな問題となる. こうし た問題を克服するため、著者らの研究グループでは、電 子線の照射に伴う電位変化を検出し観察する走査電子誘 電率顕微鏡(SE-ADM)の開発を進めている⁴⁾⁵⁾.本稿で は、この装置の概要について解説する.

2 走査電子誘電率顕微鏡の概要

従来の透過電子や反射電子による観察方法では、 試料 に電子線を直接照射することが必要となり、電子線ダ メージや低コントラストの問題が生じる.これまで著者 らは、低加速の電子線を観察窓の薄膜に照射・吸収させ て、この電位変化を検出することで、水溶液中の試料の 誘電率の違いを観察する新たな観察技術の開発を行って きた (図 1)⁴⁾⁵⁾,本装置では、電子線を試料ホルダ上部 の窒化シリコン (SiN) 薄膜のタングステン層に照射し、 薄膜内に局所的な電位変化を生じさせる. この電位変化 は、水溶液中の試料を透過し、下側の測定端子により検 出される.こうした電位変化の透過状況は、物質の比誘 電率により異なる.水は比誘電率が80と高いため電位 変化を良く透過する.一方,生物試料や有機材料は,2 ~3と低く透過が阻害される⁴⁾⁵⁾.こうした比誘電率に 起因する電位変化の透過の違いを検出することで、 極め て高いコントラストで水溶液中の試料の直接観察が可能 となる (図1). また,入射電子は,ほぼすべてタング ステン層と SiN 薄膜で散乱・吸収されるため、試料へ の電子線ダメージも極めて少ない⁴⁾⁵⁾.著者らのグルー



図1 SE-ADM の概要 (文献5より一部改変して転載)

プでは, SE-ADM を用いて, 溶液中の生物試料やナノ粒 子等を直接観察し, その構造や分散状態の解析を進めて 来た. 以下に本方法による観察結果を紹介する.

3 溶液中のナノ粒子の直接観察

著者らはこれまで,SE-ADM を用いて水溶液中のナノ 粒子の直接観察を行ってきた.例えば,大気中の汚染物 質である PM2.5 は,カーボンや金属酸化物,有機物が 凝集した粒子である.こうした PM2.5 を溶液中で直接 観察したところ,100 nm 程の小さな粒子が葡萄の房状 に凝集していることが確認された(図 2a, b)⁶⁾. PM2.5 は炭素や酸化金属等の比較的軽い元素が主成分のため, 従来の方法では水溶液中で直接観察することは困難で あった.これ以外にも直径が数 µm で厚さが数 nm と極 めて薄い粘土粒子を水溶液中で直接観察することにも成 功している⁷⁾.この観察では粘土粒子のシート状の構造



図 2 SE-ADM による溶液中の PM2.5 と粘土粒子の直接観察 (a),(b) 溶液中の PM2.5 の観察画像,(c),(d) 溶液中の粘土 粒子の画像(文献 6,7 より一部改変して転載).

だけでなく,巻物状に巻き込まれて円筒形をした粘土粒 子も観察された (図 2c, d)⁷⁾.

4 生物試料の液中観察

生物試料を電子顕微鏡で観察するためには、 試料の固 定化と脱水処理、さらには重金属による染色等の様々な 処理が必要となる.一方,SE-ADM を用いることでこう した処理を行う必要が無く、直接溶液の状態で観察する ことが可能となる.細胞機能を解析するためには、培養 液中の生きた細胞を直接観察することが望ましい. 著者 らはこれまで培養細胞を SE-ADM により観察するため の独自の培養ディッシュを開発し、生きた細胞を直接高 分解能で観察することに成功した⁸⁾⁹⁾.市販の培養ディッ シュ下部の中央部を四角く切り抜き、ここに SiN 薄膜 をはめ込む形で付着させ細胞を培養する⁸⁾.これにより, SiN 薄膜上に細胞が培養され、ほぼ一層の細胞シート状 に増殖する. 培養細胞を観察する際には、ディッシュ下 部の SiN 薄膜をアルミホルダごと取り外し、上下反転 させた後に培養液を含む形で下部の SiN 薄膜の間に挟 み込む.この状態で密閉し、電顕内部に設置し SE-ADM による観察を行った⁸⁾⁹⁾. 図3は,上皮細胞をSiN 膜上 に培養し、後から PM2.5 を添加した時の細胞の状態を 観察した結果である⁶⁾.細胞核は,直径が10 µm 程の楕 円形をしており、その周辺に複雑な細胞内部の微細構造 が観察された(図 3a, b)⁶⁾.細胞核の周辺には,通常の 細胞では見られない黒い粒子の凝集体が多数観察され る. こうした箇所を一万倍の高倍率で観察すると PM2.5 の黒い粒子が細胞内の膜構造により包み込まれているこ とが確認された(図 3c, d)⁶⁾. これ以外にも骨を形成す る骨芽細胞やメラニン色素を生成する細胞の直接観察を 行い細胞機能の解析を進めている10)11).

さらに著者らは、細胞生物由来試料として牛乳の直接



図3 SE-ADM による培養細胞の直接観察 (a),(b) 培養細胞に PM2.5 を添加した観察結果,(c),(d) 細 胞内の PM2.5 粒子の画像(文献 6 より一部改変して転載).

観察を行った.通常の牛乳は,牛乳脂肪とタンパク質を 多く含むカゼインミセルが水溶液に懸濁した状態となっ ている¹²⁾¹³⁾. SE-ADM を用いることで,こうした脂質や タンパク質の粒子が懸濁されたエマルション試料を直接 観察することが可能となる¹⁴⁾.

5 おわりに

本稿では、溶液中の様々な試料を解析するための新た な観察方法として、SE-ADM の概要とその観察結果を報 告した。本システムでは、溶液中の非染色・非固定の培 養細胞やバクテリア、エマルション等をナノレベルの高 分解能で直接観察することが可能である. SE-ADM で は、電子線を試料に直接照射しないため、電子線ダメー ジを低く抑えることができる. さらに溶液中の生物試料 を極めて高いコントラストで観察が可能である. 空間分 解能も 4.5 nm まで向上しており、液中試料を高分解能 で観察することができる. 最近は, SE-ADM をベースに 交流のインピーダンス成分を計測可能な走査電子イン ピーダンス顕微鏡の開発も並行して進めている¹⁵⁾¹⁶⁾.こ の方法では、入力信号の周波数を変化させることで、イ ンピーダンスの周波数スペクトル成分を解析でき、組成 分析への応用が期待される.本方法を用いることで溶液 中の有機材料やナノ粒子,油液中改質剤等の観察や分析 への活用が期待される.

文 献

- 1) F. Nagata, I. Ishikawa : Jpn. J. Appl. Phys., 11, 1239 (1972).
- 2) D.F. Parsons : Science, 186, 407 (1974).
- S. Thiberge, A. Nechushtan, D. Sprinzak, O. Gileadi, V. Behar, O. Zik, Y. Chowers, S. Michaeli, J. Schlessinger, W. Moses : *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, **101**, 3346 (2004).
- 4) T. Ogura : PLOS ONE, 9, e92780 (2014).
- 5) T. Ogura : Biochem. Biophys. Res. Commun., 459, 521 (2015).
- T. Okada, T. Iwayama, S. Murakami, M. Torimura, T. Ogura : *Sci. Rep.*, 11, 228 (2021).
- 7) T. Ogura, T. Okada, M. Hatano, M. Nakamura, T. Agemura : Microscopy & Microanalysis, 29, 1037 (2023).
- 8) T. Okada, T. Ogura : Sci. Rep., 6, 29169 (2016).
- 9) T. Okada, T. Ogura : Sci. Rep., 7, 43025 (2017).
- 10) T. Iwayama, T. Okada, T. Ueda, K. Tomita, S. Matsumoto, M. Takedachi, S. Wakisaka, T. Noda, T. Ogura, T. Okano, P. Fratzl, T. Ogura, S. Murakami : *Science Advances*, 5, eaax0672 (2019).
- 11) T. Okada, T. Iwayama, T. Ogura, S. Murakami, T. Ogura : *Comp. Struct. Biotech. J.*, **21**, 506 (2023).
- 12) S. Gallier, D. Gragson, R Jimenz-Flores, D. Everett : J. Dairy Sci., 58, 4350 (2010).
- 13) D. J. McMahon, B. S. Oommen : J. Agric. Food Chem., 91, 1709 (2008).
- 14) T. Ogura, T. Okada : Biochem. Biophys. Res. Commun., 491, 1021 (2017).
- 15) T. Ogura : PLOS ONE, 14, e0221296 (2019).
- 16) T. Ogura : PLOS ONE, 17, e0263098 (2021).
 - 〔国立研究開発法人産業技術総合研究所 小椋 俊彦〕